



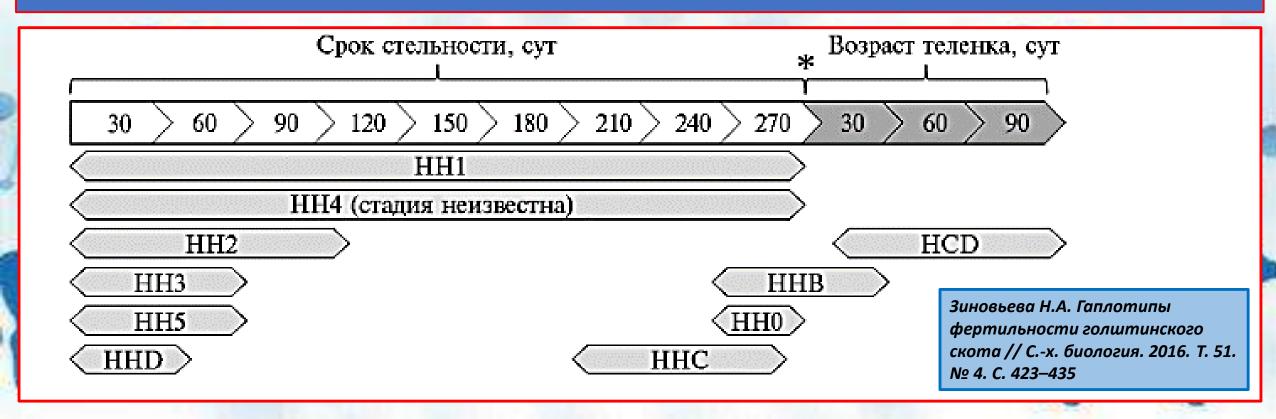
XX международный научно-практический «Балтийский форум ветеринарной медицины и продовольственной безопасности»

25-26 сентября 2025

Анализ встречаемости генетических дефектов HCD, HH5, HMW голштинского скота в России *Тема ГЗ FGGN-2024-0015* 

Кандидат биологических наук, старший научный сотрудник лаборатории частной генетики и геномики птицы НЦ ВНИИГРЖ Ларкина Татьяна Александровна

В голштинской породе в настоящее время регистрируется 11 гаплотипов фертильности (HCD, HH0, HH1, HH2, HH3, HH4, HH5, HHB, HHC, HHD, HMW), оказывающих влияние на процент успешных осеменений (с наступлением стельности) и(или) ассоциированных с эмбриональной и ранней постэмбриональной смертностью на различных стадиях и встречающихся с частотой от 0,01 до 2,95 %



## HCD - голштинский гаплотип, ассоциированный с дефицитом холестерина

Распространение летальных и полулетальных генетических мутаций в популяциях крупного рогатого скота становится причиной эмбриональной и постэмбриональной смертности телят. Использование ограниченного числа быков-производителей создает опасность широкого распространения генетических аномалий. Рецессивный дефект голштинского скота — дефицит холестерина HCD (haplotype cholesterol deficiency) характеризуется гибелью телят в первые дни или месяцы жизни.

Клиническая картина синдрома у больных телят (гомозигот):

□ отставание в росте и развитии, кахексия
□ идиопатическая диарея, неподдающаяся медикаментозному лечению
□ гипохолестеринемия или отсутствие холестерина в сыворотке крови, пониженный уровень гемоглобина, лейкоцитоз
□ гибель телят в первые дни или месяцы жизни

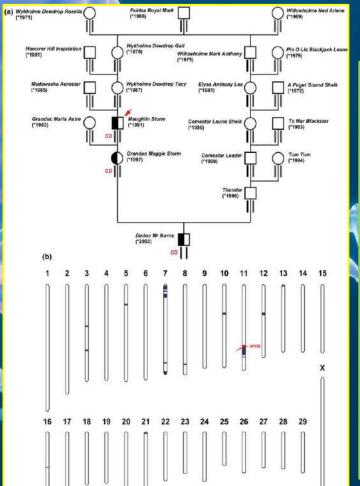


## Впервые выявил в 2015 году:

Kipp S, Segelke D, Schierenbeck S, Reinhardt F. Reents R. Wurmser C. Pausch H, Fries R, Thaller G, Tetens J, Pott J, Haas D, Raddatz BB, Hewicker-Trautwein M, Proios I, Schmicke M, Grünberg W. Identification of a haplotype associated with cholesterol deficiency and increased juvenile mortality in Holstein cattle. J Dairy Sci. 2016 Nov;99(11):8915-8931. doi: 10.3168/jds.2016-11118. Epub 2016 Sep 7. PMID: 27614835.

Дальнейшие исследования показали, что причиной этой мутации (инсерция-эндогенный ретровирус ERV2-1) служит вставка длинной 1299 bp в 5-м экзоне гена *APOB* (аполипопротеин В) на BTA11, приводящая к сдвигу рамки считывания в области кодона для 135-го аминокислотного остатка в белке APOB. В результате происходит усечение 97 % соответствующего белка

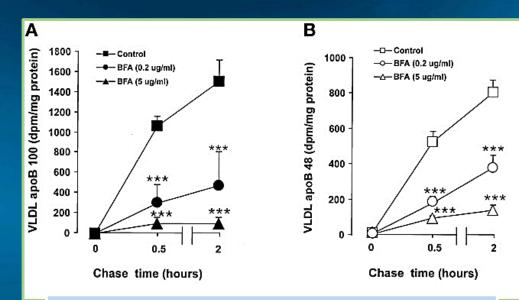




Menzi F, Besuchet-Schmutz N, Fragnière M, Hofstetter S, Jagannathan V, Mock T, Raemy A, Studer E, Mehinagic K, Regenscheit N. Meylan M, Schmitz-Hsu F, Drögemüller C. A transposable element insertion in **APOB** causes cholesterol deficiency in Holstein cattle. Anim Genet. 2016 Apr;47(2):253-7. doi: 10.1111/age.12410. Epub 2016 Jan 13.

PMID: 26763170;

PMCID: PMC4849205.



Hebbachi AM, Gibbons GF. Microsomal membrane-associated apoB is the direct precursor of secreted VLDL in primary cultures of rat hepatocytes. J Lipid Res. 2001 Oct;42(10):1609-17. PMID: 11590217.

Генерация преждевременного стоп-кодона в открытой рамке считывания гена АРОВ вызывает усечение длины белка до 140 аминокислот. Установлено, что такие ранние неспособность укорочения выведения вызывают из клеток кишечника, что приводит к мальабсорбции холестерина Белок аполипопротеин (APOB) необходим ДЛЯ синтеза хиломикронов липопротеинов очень низкой плотности в кишечнике и печени. Аполипопротеины представляют собой белковые, обычно амфифильные, компоненты липопротеинов, специфически связывающиеся соответствующими липидами при формировании липопротеиновой частицы.



#### Голштинский гаплотип НН5

Гаплотип НН5, обусловливающий эмбриональные потери до 2 месяца стельности, картирован на 9-й хромосоме (25) в области 92.350.052- 93.910.957. Установлено, что причина эмбриональной смертности, ассоциированной с HH5, — делеция размером 138 kb (точки разрыва и слияния соответственно в позициях 93.232.651 и 93.370.998 UMD\_3.1). На участках, прилегающих к разрывам с обеих сторон, найдены повторяющиеся элементы — член семейства Bov-B (upstream) и L1ME3 из семейства L1 LINE (downstream). Исходя из этого, был сделан вывод, что мутационное событие произошло вследствие гомологичной рекомбинации/делеции. Делеция затрагивает полную последовательность гена диметиладенозинтрансферазы 1, известного также как ген митохондриального транскрипционного фактора B1 (mitochondrial transcription factor B1, TFB1M). TFBM1 необходим для инициации трансляции белков в митохондриях, поэтому его отсутствие у животных, гомозиготных по мутации, вызывает

летальный эффект.

Cooper, Genomic evaluation identification haplotype affecting fertility for Ayrshire dairy cattle [Text] / T.A. Cooper [and etc.] // Journal of Dairy Science. -2013. Vol.96. -No.1. - P.74 .

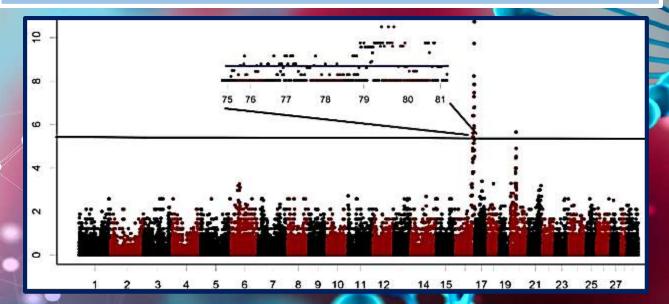


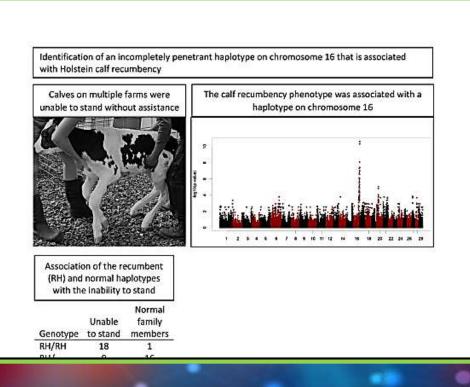
Методическое наставление разработано в ФГБНУ ФНЦ ВИЖ им. Л.К. Эрнста (канд. биол. наук Е.А. Гладырь, канд. биол. наук О.С. Романенкова, канд. биол. наук В.В. Волкова, д-р биол. наук Костюнина (Лаборатория молекулярных основ селекции), канд. с.х. наук А.А. Сермягин (Отдел популяционной генетики разведения генетических основ животных), филиал ВНИИГРЖ канд. биол. наук М.В. Позовникова, канд. биол. наук Н.В. Дементьева, акад. РАН, д-р биол. наук, проф.,.Н.А. Зиновьева)

### Голштинский гаплотип HMW

В 2022 году впервые появилась информация о новой аномалии голштинского скота. Телята, гомозиготные носители аномалии, не могут встать на ноги после рождения, 52% телят, таких носителей, гибнут в возрасте до 18 месяцев. Так называемый синдром мышечной слабости (HMW) встречается в популяции голштинского скота у 17% животных. Рецессивный гаплотип, приводящий к повышенной смертности телят, локализован на хромосоме 16, в гене CACNA1S.

Dechow CD, Frye E, Maunsell FP. Identification of a putative haplotype associated with recumbency in Holstein calves. JDS Commun. 2022 Aug 6;3(6):412-415. doi: 10.3168/jdsc.2022-0224. PMID: 36465504; PMCID: PMC9709600.





Объект исследования: образцы ДНК (n=100), выделенные из спермы быков голштинской породы РФ

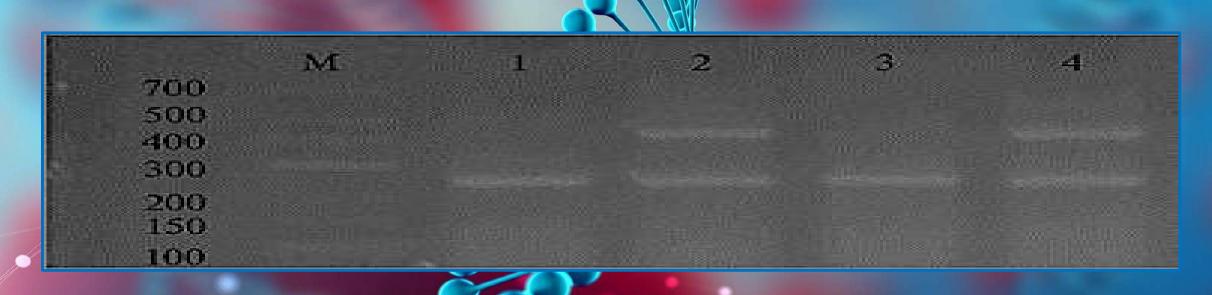
### Цель:

Изучить встречаемость гаплотипов фертильности HCD, HH5, HMW в российских популяциях быков голштинской породы и провести оценку продуктивных качеств дочерей быков – гетерозиготных носителей генетических дефектов

- Анализируемая выборка (n=100) быков голитинской породы (Bos taurus taurus) одного из племенных хозяйств Ленинградской области была случайной, в нее вошли животные с 2003 по 2018 год рождения.
- ДНК выделяли фенольным методом из спермы
- Для генотипирования методом ПЦР использовали праймеры
- Полученные фрагменты ДНК разделяли методом горизонтального электрофореза
- Размеры ампликонов определяли относительно маркера молекулярных масс ThermoScientific Gene Ruler Ultra Low Range DNA Ladder («Fermentas», Литва).
- Документирование и обработку результатов осуществляли с помощью видеосистемы Gel Imager 2 («Helicon», Россия).
- Статистическая обработка проведена в программе STATISTICA 10.0 (Statsoft, Inc./TIBCO, Palo Alto, CA, USA).

# Результаты

Электрофореграмма продуктов ПЦР-амплификации на наличие indel полиморфизма в гене *APOB* у быков голштинской породы ( гаплотип HCD): М — маркер молекулярных масс; 1,3 — здоровые животные (присутствует фрагмент длиной 249 bp), 2, 4 — гетерозиготные носители (фрагменты 249 и 436 bp)



## Обсуждение

	Level of	N	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV
			ПО	ПО	ПО	по %	по %	по %	по %	по %	по %	по кг	по кг	по кг	по кг	по кг	по кг
			удою	удою	удою	жира	жира	жира	белка	белка	белка	белка	белка	белка	жира	жира	жира
	Factor		Mean	Std.D	Std.Er	Mean	Std.D	Std.Er	Mean	Std.D	Std.Er	Mean	Std.D	Std.Er	Mean	Std.D	Std.Er
				ev.	r		ev.	r		ev.	r		ev.	r		ev.	r
Total		92	1162	2509	262	0,30	1,04	0,11	0,26	0,90	0,09	12,03	20,86	2,17	17,78	27,68	3 2,89
HCD	C	12	1316	3258	941	0,33	1,13	0,33	0,28	0,98	0,28	12,06	21,81	6,30	16,25	25,40	7,33
HCD	Т	80	1139	2401	268	0,30	1,03	0,12	0,26	0,89	0,10	12,03	20,85	2,33	18,02	28,15	3,15

Интересно отметить, что быки- носители мутации HCD не снижают продуктивность дочерей. Более того, в изученной популяции средняя расчетная племенная ценность по признакам удой, жир и белок у дочерей быков-носителей HCD оказалась выше, чем у интактных животных.

# Обсуждение

		Level of	N	<b>EBV</b>	EBV	<b>EBV</b>	EBV no	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	<b>EBV</b>	<b>EBV</b>	EBV	EBV
				ПО	ПО	ПО	% жира	я по %	по %	по %	по %	по %	по кг	по кг	по кг	по кг	по кг	по кг
				удою	удою	удою		жир	жира	белка	белка	белка	белка	белка	белка	жира	жира	жира
								a										
		Factor		Mean	Std.De	Std.Er	Mean	Std.D	Std.Er	Mean	Std.De	Std.Er	Mean	Std.De	Std.Er	Mean	Std.De	Std.Er
					V.	r		ev.	r		V.	r		V.	r		V.	r
	HH5	Т	89	1199	2541	269	0,33	1 1,05	0,11	0,27	0,91	0,10	12,38	20,94	2,22	18,28	27,80	2,95
	HH5	C	3	81	599	346	0,00	0,01	0,00	-0,01	0,01	0,01	1,73	18,46	10,66	3,13	23,12	13,35
	The same		100									All I	-				100	
		Level of	N	EBV	EBV	EBV	EBV	<b>EBV</b>	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV	EBV
				ПО	ПО	ПО	по %	по %	по %	по %	по %	по %	по кг	по кг	по кг	по кг	по кг	по кг
				удою	удою	удою	жира	жира	жира	белка	белка	белка	белка	белка	белка	жира	жира	жира
1		Factor		Mean	Std.De	Std.Er	Mean	Std.De	Std.Er	Mean	Std.De	Std.Er	Mean	Std.De	Std.Er	Mean	Std.De	Std.Er
C					V.	r		V.	r		V.	r		V.	r		V.	r
	HMW	Т	89	1174	2547	270	0,31	1,05	0,11	0,27	0,91	0,10	11,73	20,86	2,21	17,26	27,69	2,93
1	HMW	C	3	833	778	449	0,00	0,05	0,03	-0,06	0,05	0,03	21,03	22,87	13,20	33,23	27,67	15,98

## выводы

Анализ полученных данных свидетельствует, что у исследуемой группы племенных быков производителей голштинской породы в количестве 100 голов были выявлены гетерозиготные носители мутации гаплотипов фертильности: HH5, HCD и HMW процент распространенности носителей трех мутации составил 3%, 12% и 3% от протестированных животных, соответственно. Однако, как показывает практика, быки — носители рецессивных мутаций зачастую служат улучшателями, а широкому распространению генетических дефектов способствует то, что они, как правило, сцеплены с генами хозяйственно полезных признаков. Более того, в изученной нами популяции средняя расчетная племенная ценность по признакам удой, жир и белок у дочерей быков-носителей HCD оказалась выше, чем у интактных животных. Использование быков носителей мутации HCD не снижает продуктивность в стаде. По дефектам HH5 и HMW дисперсионный анализ не выявил достоверных различий влияния носительства мутаций у быков на продуктивность дочерей.

Тем не менее мониторинг популяций на носительство указанных генетических дефектов необходим, поскольку использование гетерозиготных быков может приводить к рождению больного и нежизнеспособного потомства и, как следствие, — к экономическим потерям в хозяйствах. Наличие в активной части популяции быков-носителей полулетальных мутаций не является обязательным условием скорейшей их элиминации, т.к. при надлежащем контроле и подборе родительских пар возможно полноценное использование семени данных производителей в стадах, ориентированных на производство цельномолочной продукции.

## Благодарю за внимание!

Ларкина Татьяна Александровна, к.б.н., старший научный сотрудник лаб. частной генетики и геномики птицы НЦ ВНИИГРЖ

<u>e-mail: tanya.larkina2015@yandex.ru</u>

### СПАСИБО ЗА ПОМОЩЬ КОЛЛЕКТИВУ ВНИИГРЖ

Сермягину Александру Александровичу, к.б.н., директор ВНИИГРЖ
Позовниковой Марине Владимировне, к.б.н., старший научный сотрудник лаб.

молекулярной генетики ВНИИГРЖ

Дементьевой Наталии Викторовне, к.б.н., ведущий научный сотрудник, зав. лаб.

молекулярной генетики ВНИИГРЖ

Рябовой Анне Евгеньевне, м.н.с., аспирант лаб. молекулярной генетики ВНИИГРЖ Кузнецову Павлу – бакалавр, студент ЛГУ

196601, Санкт-Петербург, Пушкин, Московское ш., 55 А